

一般ポスター発表/Poster presentation [小ホール他]

偶数番号：1日目(2017/11/14), 奇数番号：3日目(2017/11/16)

Y：若手ポスター賞

- P01 蛋白質選択的飽和によるタンパク質-リガンド相互作用観測の試み
○栗田順一, 平尾優佳, 西村善文(横浜市立大学・生命医科学研究科)
- P02 COSY法の新しい応用測定 – MDEC-J-resolved COSY法について
○降旗一夫¹, 田代充²(¹東大院農・応生化, ²明星大・理工)
- P03 生体系の溶液NMRにおける超偏極技術の新たな展開
○大木出¹, 藤咲貴大¹, 池上貴久², 白川昌宏¹(¹京都大学大学院・工学研究科, ²横浜市立大学 生命医科学研究科)
- P04 **Y** 定量NMRと高速液体クロマトグラフィーを組み合わせたハロ酢酸混合標準液の濃度測定
○山崎太一¹, 中村哲枝¹, 沼田雅彦¹, 西崎雄三², 杉本直樹², 井原俊英¹(¹産業技術総合研究所・計量標準総合センター, ²国立医薬品食品衛生研究所)
- P05 マルチサイトの選択励起パルスを用いた二次元NMR測定の分解能の向上
○金場哲平^{1,2}, 堤遊¹(¹ブルカー・バイオスピン株式会社, ²首都大学東京 理工学研究科)
- P06 緩和分散CPMG法におけるスピン状態に依存したアーティファクト削減の解析
長土居有隆¹, ○池上貴久²(¹技術サービス・ブルカーバイオスピン株式会社, ²横浜市立大学・生命医科学研究科)
- P07 溶液NMRを用いたマルチドメインタンパク質PKCの構造解析
○貴堂晃弘¹, 工藤工¹, 金場哲平^{1,2}, 伊藤隆¹, 三島正規¹(¹首都大学東京理工学研究科, ²ブルカー・バイオスピン株式会社)
- P08 ガス圧NMR法によるタンパク質における酸素結合部位の決定
○北原亮¹, 桜庭俊², 亀田倫史³, 奥田三四郎⁴, Xue Mengjun⁵, Frans AA Mulder⁵(¹立命館大学・薬学部, ²東京大学大学院・新領域創成科学研究科, ³産業技術総合研究所人工知能研究センター, ⁴立命館大学・生命科学研究所, ⁵オーフス大学iNANO研究所)
- P09 レオロジーNMRを用いたタンパク質線維形成機構の解明
○森本大智¹, ヴァリンダ エリック², 岩川直都¹, シェラー ウルリッヒ³, 山本昭彦⁴, 白川昌宏¹, 菅瀬謙治¹(¹京都大学大学院 工学研究科, ²京都大学大学院 医学研究科, ³Leibniz Institute of Polymer Research Dresden, ⁴ブルカー・バイオスピン株式会社)
- P10 **Y** ¹³C検出法によるアルギニン側鎖のNMR信号検出およびイオン化状態の同定
○吉村優一¹, Oktaviani Nur Alia², 米澤健人³, 上久保裕生³, Mulder Frans^{1,2}(¹オーフス大学 Interdisciplinary Nanoscience Center (iNANO) and Department of Chemistry, ²フローニンゲン大学 Groningen Biomolecular Sciences and Biotechnology Institute, ³奈良先端科学技術大学院大学 物質創成科学研究科)
- P11 溶液NMRを用いたリン酸化タンパク質とマルチドメインタンパク質の複合体の構造解析
○工藤工, 伊藤隆, 三島正規(首都大学東京 理工学研究科)
- P12 **Y** RNA結合タンパク質Musashi-1のRBD2:r (GUAGU)複合体溶液構造決定と標的RNA選択メカニズムの解明
○岩岡諒^{1,2}, 永田崇^{1,2}, 津田健吾³, 今井貴雄^{4,5}, 岡野栄之⁴, 小林直宏⁶, 片平正人^{1,2}(¹京都大学大学院・エネルギー科学研究科, ²京都大学・エネルギー理工学研究科, ³理研・CLST, ⁴慶應義塾大学・医学部・生理学教室, ⁵慶應義塾大学・医学部・化学教室, ⁶大阪大学・蛋白質研究所)
- P13 常磁性効果を用いた溶液NMR法による蛋白質の立体構造解析
○岡田真由¹, 池谷鉄兵¹, Rajesh Sundaresan¹, 野尻英里¹, 美川務², 伊藤隆¹(¹首都大学東京大学院 理工学研究科, ²理化学研究所 生命システム研究センター)
- P14 ヘム軸配位子ヒスチジンの電子構造における共鳴がミオグロビンの外部配位子識別に与える影響
○山本泰彦¹, 田口耕太郎¹, 鳥澤真鈴¹, 渡邊美帆¹, 西村龍¹, 柴田友和¹, 鈴木秋弘², 根矢三郎³, 逸見光⁴(¹筑波大院・数理物理, ²長岡高専・物質工, ³千葉大院・薬, ⁴農研機構・食品部門)

- P15 ¹⁹F含有化合物を用いた蛋白質と薬剤との相互作用解析法の開発
○新家 祥子¹, 小橋川 敬博², 滝沢 剛³, 半沢 宏之³, 藤原 敏道¹, 児嶋 長次郎^{1,4} (¹大阪大学・蛋白質研究所, ²熊本大学・大学院生命科学研究部, ³第一三共RD ノバーレ株式会社・合成化学研究部, ⁴横浜国立大学・大学院工学府)
- P16 **Y** 哺乳類においてイントロン中で保存されている領域から発現している低分子 non-coding RNA の二次構造解析
○鈴木 拓馬¹, 清澤 秀孔², 河合 剛太^{1,2} (¹千葉工業大学大学院工学研究科, ²千葉工業大学先進工学部)
- P17 新規 Rheo-NMR法を用いたALS関連タンパク質 SOD1 線維形成機構の解明
○岩川 直都¹, 森本 大智¹, Walinda Erik², 菅瀬 謙治¹, 白川 昌宏¹ (¹京都大学大学院 工学研究科, ²京都大学大学院 医学研究科)
- P18 **Y** 高圧力 NMR法によるユビキチンの局所変性状態の立体構造決定
○若本 拓朗¹, 北沢 創一郎², 池谷 鉄兵³, 亀田 倫史⁴, Roumestand Christian⁵, Baxter Nichola⁶, Williamson Mike⁶, 北原 亮² (¹立命館大学大学院 生命科学研究科, ²立命館大学 薬学部, ³首都大学東京 理工学研究科, ⁴産総研 創薬基盤研究部門, ⁵モンペリエ大学, ⁶シェフィールド大学)
- P19 翻訳開始前複合体において形成される翻訳開始因子間の結合ネットワークの役割
○永田 崇^{1,2}, 吉田 尚史³, 雲 財悟⁴, 浦野 健⁵, 浅野 桂⁶, 尾林 栄治⁵ (¹京都大学・エネルギー理工学研究所, ²京都大学・エネルギー科学研究科, ³神奈川科学技術アカデミー・創薬グループ, ⁴法政大学・生命機能学科, ⁵島根大学・医学部, ⁶カンザス大学・生物学科)
- P20 **Y** ダイユビキチンの結合様式特異的な動的構造の解明
○高嶋 真吾¹, ヴァリンダ エリック², 森本 大智¹, 菅瀬 謙治¹, 白川 昌宏¹ (¹京都大学大学院・工学研究科, ²京都大学大学院・医学研究科)
- P21 タウ凝集化を阻害するプロリン異性化酵素 Pin1 の異性化活性メカニズム
○梶尾 尚哉¹, Jing Wang², 楯 真一², 楯 直子¹ (¹帝京大学薬学部, ²広島大学大学院理学研究科)
- P22 **Y** 酵母 *Pichia pastoris* 発現系を用いたメチル基選択的 ¹³C 標識タンパク質試料の調製と NMR 解析
○鈴木 里佳, 坂倉 正義, 森雅 樹, 藤井 萌, 高橋 栄夫 (横浜市立大学大学院・生命医科学研究科)
- P23 酸化ストレス応答における Keap1 の構造・相互作用解析
○井上 仁¹, 村松 亜紀², 鈴木 隆史², 磯 達朗², 小柴 生造¹, 山本 雅之^{1,2} (¹東北大学 東北メディカル・メガバンク機構, ²東北大学大学院 医学系研究科)
- P24 **Y** Conformation and dynamics of soluble repetitive domain of spider dragline silk protein rationalizes an initiation step of β -sheet formation
○Nur Alia Oktaviani, Keiji Numata (Enzyme Research Team, RIKEN Center for Sustainable Resource Sciences)
- P25 NMRを用いた血清中での抗体の相互作用解析
○谷中 冴子^{1,2}, 山崎 俊夫³, 與語 理那^{1,2}, 矢木 宏和², 加藤 晃一^{1,2} (¹自然科学研究機構 分子科学研究所, ²名古屋市立大学 大学院薬学研究科, ³理化学研究所 ライフサイエンス技術基盤研究センター)
- P26 **Y** GPCRモジュレーター spinophilin とアドレナリン受容体細胞内ループとの相互作用 : NMR情報を基にした相互作用部位の絞り込み
○浦野 智子, 島崎 安希子, 宮下 祐美, 細田 和夫, 寺脇 慎一, 若松 馨 (群馬大学大学院理工学府)
- P27 MAPK p38 α によるストレス刺激に適合した基質選別機構の解明
○徳永 裕二^{1,2}, 竹内 恒¹, 高橋 栄夫³, 嶋田 一夫^{1,4} (¹産業技術総合研究所 創薬分子プロファイリング研究センター, ²バイオ産業情報化コンソーシアム, ³横浜市立大学 生命医科学研究科, ⁴東京大学大学院 薬学系研究科)
- P28 **Y** マルチドメインタンパク質における構造アンサンブルと各構造の存在比の解析
○瀧下 俊平¹, 齋尾 智英^{1,2,3}, 平松 蒼野¹, 久米 田博之^{4,5}, 清水 和美⁶, 石森 浩一郎^{1,2} (¹北海道大学大学院 総合化学研究院, ²北海道大学大学院 理学研究院, ³JST・さががけ, ⁴北海道大学大学院 先端生命科学研究院, ⁵北海道大学 国際連携研究教育局 ソフトマターグローバルステーション, ⁶早稲田大学大学院 教育・総合科学学術院)
- P29 HP1 α の N 末端天然変性領域のリン酸化によるヘテロクロマチン形成機構の解析
○古川 亜矢子¹, 栗田 順一¹, 下條 秀朗¹, 中山 潤一², 西村 善文¹ (¹横浜市立大学生命医科学研究科, ²基礎生物学研究所)

- P30 **Y** マルチドメインタンパク質のドメインダイナミクスが持つ機能上の役割の解明
 – SAXSとNMR (RDC/PRE/CSP) による統合的アンサンブル構造解析 –
 ○川崎亮祐¹, Jie-rong Huang², Yun-Tzai Cloud Lee³, 梶尾尚哉⁴, Shang-Te Danny Hsu³, 楯真一^{1,4}
 (1)広島大学・理学研究科・数理分子生命理学専攻, (2)台湾国立陽明大学・生化学暨分子生物学研究所, (3)中央研究院・生物化学研究所, (4)広島大学・クロマチン動態数理研究拠点 (ReMcD)
- P31 レアアースイオン鉱物化ペプチドアダプターのNMR解析
 ○松上明正¹, 畠中孝彰², 石田亘広², 林文晶¹ (1)理化学研究所 ライフサイエンス技術基盤研究センター,
 (2)豊田中央研究所 戦略研究部門)
- P32 アポミオグロビンの折り畳み中間体の解析
 ○西村千秋 (帝京平成大学薬学部薬学科)
- P33 H2A-H2B dimerとヌクレオソーム中のH2A-H2BのNMR研究
 ○大友秀明¹, 山根努¹, 池口満徳¹, 森脇義仁¹, 栗田順一¹, 有村泰宏², 胡桃坂仁志², 西村善文¹
 (1)横浜市立大学生命医科学研究科, (2)早稲田大学大学院先進理工学研究科)
- P34 タンパク-タンパク相互作用ネットワークにおけるハブタンパクの結合様式の解明
 ○奥田昌彦, 西村善文 (横浜市立大学大学院・生命医科学研究科)
- P35 溶液NMRを用いたlncRNA結合タンパク質SHARPの構造解析
 ○永井敢, 小林彩保, 伊藤隆, 三島正規 (首都大学東京大学院 理工学研究科)
- P36 **Y** 藍色細菌*Anabaena variabilis*由来RNA結合タンパク質RbpDの構造機能相関解析
 ○田中邑樹¹, 佐藤直樹², 林秀則^{3,4}, 森田勇人¹ (1)城西大学大学院 理学研究科, (2)東京大学大学院 総合文化研究科, (3)愛媛大学 プロテオサイエンスセンター, (4)愛媛大学大学院 理工学研究科)
- P37 細胞接着に関わるマルチドメインタンパク質vinculinの溶液NMR法による構造解析
 ○会津貴大, 永井敢, 伊藤隆, 三島正規 (首都大学東京 理工学研究科)
- P38 **Y** ヤエヤマサソリ由来毒素LaIT2の構造機能相関解析
 ○田村真生¹, 十一浩典², 宮下正弘², 宮川恒², 森田勇人¹ (1)城西大学・大学院理学研究科, (2)京都大学・大学院農学研究科)
- P39 アンサンブル学習を応用した水産物評価技術の開発
 ○朝倉大河¹, 伊達康博^{1,2}, 菊地淳^{1,2,3} (1)特定国立研究開発法人理化学研究所 環境資源科学研究センター,
 (2)横浜市立大学大学院 生命医科学研究科, (3)名古屋大学大学院 生命農学研究科)
- P40 **Y** NMRメタボロミクスに適した生体試料調製法の検討
 ○山野めぐみ¹, 稲村勇雅¹, 北田直也¹, 清水由宇¹, 久米田博之^{2,3}, 熊木康裕⁴, 菊川峰志^{1,2,3},
 塚本卓^{1,2,3}, 出村誠^{1,2,3}, 中村公則^{1,3}, 綾部時芳^{1,3}, 相沢智康^{1,2,3} (1)北海道大学大学院生命科学院, (2)北海道大学 GI-CoRE ソフトマター GS, (3)北海道大学大学院先端生命科学研究院, (4)北海道大学大学院理学研究院)
- P41 抗菌ペプチドnukacin ISK-1の溶液構造決定
 ○藤浪大輔¹, Abdullah-Al-Mahin², Khaled M Elsayed², 永尾潤一⁴, 善藤威史², 園元謙二^{2,3}, 神田大輔¹
 (1)九州大学・生体防御医学研究所, (2)九州大学・農学研究科, (3)九州大学・バイオアーキテクチャーセンター,
 (4)福岡歯科大学・機能生物化学講座)
- P42 **Y** NMRメタボローム解析を用いたルーメン内繊維分解細菌間相互作用に関する研究
 ○稲村勇雅¹, 山野めぐみ¹, 北田直也¹, 久米田博之^{2,3}, 熊木康裕², 大西裕季², 塚本卓^{1,2,3}, 菊川峰志^{1,2,3},
 出村誠^{1,2,3}, 福間直希⁴, 村住侑毅⁴, 小池聡⁴, 小林康男⁴, 相沢智康^{1,2,3} (1)北海道大学大学院生命科学院,
 (2)北海道大学大学院先端生命科学研究院, (3)北海道大学 GI-CoRE ソフトマター GS, (4)北海道大学大学院農学研究科)
- P43 凝集構造を様々に変化させたPMMAの気体輸送特性
 ○西口枝里子, 吉水広明 (名古屋工業大学大学院 工学研究科)
- P44 溶液NMR法によるtau凝集体と低分子化合物の相互作用解析
 ○山口芳樹¹, 松本加奈¹, 佐原成彦² (1)理化学研究所・糖鎖構造生物学研究チーム, (2)量子科学技術研究開発機構放射線医学総合研究所)
- P45 セルロース誘導体を構成するモノマー組成の決定
 ○甲野裕之 (苫小牧高専・応用化学・生物系)

- P46 ^2H NMRを用いたオルガノソルブリゲニンの溶媒との反応性評価
○熊谷洗¹, 宮川利文¹, 小山啓人¹, 川又勇来², 吉川琢也², 中坂佑太², 増田隆夫² (¹出光興産株式会社, ²北大院工)
- P47 高速磁場サイクリングNMRによるフッ素化スルホン酸アイオノマー水溶液の ^{19}F のスピ格子緩和速度の測定
○山口真 (技術研究組合FC-Cubic)
- P48 **Y** エチレンビニルアルコール共重合体中の含水状態における気体の拡散特性
○松下晴香, 吉水広明 (名古屋工業大学大学院 工学研究科)
- P49 NMR測定でわかるゴム状高分子に収着した気体の拡散性
○宮代亜紗美, 吉水広明 (名古屋工業大学・大学院工学研究科)
- P50 **Y** 揮発性有機化合物 (クロロエチレン) 標準液の定量NMR法による精確な濃度校正法の検討
○斎藤直樹, 井原俊英 (産業技術総合研究所 計量標準総合センター 物質計測標準研究部門)
- P51 ^{19}F と ^1H 間NOE効果及びNMR緩和速度測定によるルテニウムを含む新規有機金属イオン液体の構成と動態の研究
○鄭智海¹, 桑原大介², 持田智行³ (¹電通大 情報理工学研究科, ²電通大 研究設備センター, ³神戸大 大学院理学研究科)
- P52 **Y** 拡散NMRと誘電分光法を用いたマウス臓器の水分子ダイナミクス解析
○川口翼¹, 青山剛志², 齋藤徹哉², 喜多理王², 新屋敷直木², 八木原晋², 福崎稔³, 増田治史⁴ (¹東海大学大学院総合理工学研究科, ²東海大学理学部物理学科, ³東海大学熊本教養教育センター, ⁴東海大学医学部生体構造機能学)
- P53 PFG-NMRによる木材中における水分子の異方的な動的挙動の解析
○堀雄貴¹, 川口翼², 喜多理王³, 新屋敷直木³, 八木原晋³, 福崎稔⁴, 須藤誠一⁵, 鈴木養樹⁶ (¹東海大学大学院理学研究科, ²東海大学大学院総合理工学研究科, ³東海大学理学部物理学科, ⁴東海大学熊本教養教育センター, ⁵東京都市大学共通教育部, ⁶森林総合研究所)
- P54 LIB用多層膜セパレータのイオン拡散挙動
○堀池則子, 栗岡昭宏, 橋本康博 (旭化成株式会社 研究・開発本部 基盤技術研究所)
- P55 水溶液中の重原子イオンと重原子に結合した炭素のスピ格子分極シフト
○横山拓海, 岡田瞭英, 高橋直哉, 中川直哉, 桑原大介 (電気通信大学・大学院・情報理工学研究科)
- P56 **Y** 高磁場極低温下のMAS-DNP固体NMRにより誘起された超偏極核磁化のスピ格子相関項成分の観測
○杉下友晃, 深澤隼, 松木陽, 藤原敏道 (大阪大学・蛋白質研究所)
- P57 高温DNPを指向した新規ガラスマトリックスの探索
○山田和哉, 藤原敏道, 松木陽 (大阪大学 蛋白質研究所)
- P58 センサリロードプシンのレチナール構造変化に対する ^{13}C NMR化学シフト値計算
○榎野義輝¹, 川村出¹, 沖津貴志², 和田昭盛², 須藤雄気³, 加茂直樹⁴, 内藤晶¹, 上田一義¹ (¹横浜国立大 院工, ²神戸薬大, ³岡山大院医歯薬, ⁴北海道大院生命)
- P59 Pradimicin A/Mannotriose 複合体の固体相関NMR
○須藤亜紀乃¹, 中川優^{2,3}, 渡邊泰典², 野田泰斗¹, 竹腰清乃理¹ (¹京都大学大学院 理学研究科, ²名古屋大学大学院 生命農学研究科, ³理化学研究所)
- P60 抗菌ペプチドHylin b1のpH変化に対する運動性の違い
○川村出¹, 廣重玲奈¹, Batsaikhan Mijiddorj^{1,2}, 松尾雄大¹, 上田一義¹ (¹横浜国立大学・大学院工学府, ²National University of Mongolia)
- P61 固体NMRを用いた木質素材の樹脂含浸及び熱処理過程の解析
○西田雅一¹, 田中智子¹, 三木恒久¹, 早川由夫¹, 金山公三² (¹産業技術総合研究所, ²京都大学・生存圏研究所)
- P62 **Y** 固体NMRによるPhe-Pheモチーフをもつペプチドの自己組織化集合体の分子構造の解析
○尾澤夢実¹, Batsaikhan Mijiddorj¹, 佐藤久子², 内藤晶¹, 川村出¹ (¹横浜国立大学大学院 工学府, ²愛媛大学 理工学研究科)

- P63 アンモニウムイオンで部分置換したCs₂(HSO₄)(H₂PO₄)におけるスピン拡散とスピン-格子緩和
○林繁信, 治村圭子(産業技術総合研究所 物質計測標準研究部門)
- P64 **Y** 野蚕絹繊維に特徴的な分子間精密構造の決定とその繊維化過程に関するNMR構造解析
○西村明生, 朝倉哲郎(東京農工大学大学院 工学部 生命工学科)
- P65 吸着式ヒートポンプ用活性炭へのエタノール吸着における表面官能基の影響
○出田圭子¹, 吉鉉植¹, 秦弘一郎², 尹聖昊^{1,2}, 宮脇仁^{1,2}(¹九州大学先導物質化学研究所, ²九州大学総合理工学研究院)
- P66 **Y** 励起三重項電子を用いたDNP法によるMOF骨格¹Hの高偏極化
○藤原才也¹, 細山田将士¹, 楊井伸浩^{1,2,3}, 立石健一郎⁴, 上坂友洋⁴, 君塚信夫^{1,2}(¹九大院・工, ²九大・CMS, ³JST-さきがけ, ⁴理研・仁科セ)
- P67 クライオコイルMASプローブを用いた天然存在比の⁴³Ca測定
○最上祐貴¹, 清水禎¹, 水野敬², 戸田充², 根本貴宏², 竹腰清乃理³(¹国立研究開発法人物質材料研究機構, ²株式会社JEOL RESONANCE, ³京都大学 理学研究科)
- P68 カルシウムアルミノシリケートガラスの連鎖構造
○金橋康二(新日鐵住金(株) 先端技術研究所)
- P69 水陸バイオマス混合物の多面的計測ビッグデータの統合解析
○今榮康文^{1,2}, 坪井裕理², 菊地淳^{2,3,4}(¹株式会社住化分析センター, ²理研 CSRS, ³横大院・生命医, ⁴名大院・生命農)
- P70 温度可変NMRで見るLa_{2-x}Sr_xLiH_{1+x}O_{3-x}におけるHのダイナミクス
○野田泰斗¹, 栗原拓也¹, 竹腰清乃理¹, 及川格², 高村仁², 小林玄器³(¹京都大学大学院・理学研究科, ²東北大学大学院・工学研究科, ³分子科学研究所・協奏分子システム研究センター)
- P71 固体NMRによるセメント関連材料の構造解析
○高橋貴文, 金橋康二(新日鐵住金株式会社 先端技術研究所)
- P72 **Y** 双極子およびJ相互作用を利用した固体NMRによるCdSeクラスターのリガンド-表面結合の定量測定法
○栗原拓也, 野田泰斗, 竹腰清乃理(京都大学大学院 理学研究科)
- P73 固体NMRによるデシルジホスホン酸イミダゾリウム結晶(Im₂DDPAとImDDPA)の構造解析
○畝亮太¹, 不破寛規², 雨森翔悟³, 井田朋智¹, 水野元博^{1,3}(¹金沢大学大学院自然科学研究科, ²金沢大学理工学域物質化学類, ³金沢大学新学術創成研究機構)
- P74 CP-VC法によるアミノ酸, ポリペプチドのC-H, N-H距離の検討
○木村英昭¹, 堤遊¹, 莊司顯²(¹ブルカー・バイオスピン(株), ²群馬大学名誉教授)
- P75 マイクロ波照射NMR分光法による液晶分子のマイクロ波加熱分子機構の解明
○内藤晶¹, 田制侑悟^{1,2}, 榎野義輝¹, 藤戸輝昭³, 川村出¹(¹横浜国立大学大学院工学研究院, ²東京農工大学生命工学科, ³プローブ工房)
- P76 **Y** NMRを用いたポリ4-メチルペンテン1のXe吸着特性評価
○野村優友, 吉水広明(名古屋工業大学大学院 工学研究科)
- P77 NMRを用いたシンジオタクチックポリスチレンの結晶構造解析
○伊藤美翔, 吉水広明(名古屋工業大学大学院 工学研究科)
- P78 **Y** in-cell NMRなど困難な実験系を対象としたアミノ酸選択的安定同位体標識法
○葛西卓磨^{1,2}, 樋口佳恵¹, 猪股晃介¹, 木川隆則^{1,3}(¹理化学研究所 生命システム研究センター, ²JST さきがけ, ³東京工業大学 情報理工学院)
- P79 NMRによるマルチドメイン蛋白質Drkの動態解析
○末元雄介¹, 井上仁¹, 鴨志田一¹, 三島正規¹, 猪股晃介², 葛西卓磨², 木川隆則², 池谷鉄兵¹, 伊藤隆^{1,2}(¹首都大学東京大学院 理工学研究科, ²理化学研究所 生命システム研究センター)
- P80 **Y** ヒト培養細胞中の蛋白質の3D三重共鳴NMR測定
○鴨志田一^{1,2}, 池谷鉄兵^{1,2}, 三島正規^{1,2}, 伊藤隆^{1,2}(¹首都大学東京 理工学研究科, ²CREST/JST)

- P81 動物細胞の健全性が細胞内タンパク質のフォールディング状態に与える影響
○猪股晃介¹, 鴨志田一², 伊藤隆², 木川隆則^{1,3} (¹理化学研究所・生命システム研究センター, ²首都大学東京・理工学研究科, ³東京工業大学・情報理工学研究院)
- P82 **Y** In-cell NMR法によるヒト細胞内DNAおよびRNAの観測
○山置佑大¹, 清石彩華², 三宅雅之², 加納ふみ³, 村田昌之⁴, 永田崇^{1,2}, 片平正人^{1,2} (¹京都大学・エネルギー理工学研究科, ²京都大学大学院・エネルギー科学研究科, ³東京工業大学大学院・科学技術創成研究院, ⁴東京大学大学院・総合文化研究科)
- P83 可搬型 NQR装置の高出力化
大田垣祐衣, ○須崎滉平, 宮戸祐治, 赤羽英夫 (大阪大学大学院 基礎工学研究科)
- P84 **Y** in-cell NMR法を用いたライソゾーム病関連酵素 Cathepsin D の構造解析
○市村克也, 森本大智, 白川昌宏, 菅瀬謙治 (京都大学・大学院工学研究科・分子工学専攻)
- P85 二重共鳴 NQRによる四極子核-四極子核間の距離および角度相関
○日部雄太, 武田和行, 竹腰清乃理 (京都大学大学院 理学研究科 化学専攻)
- P86 高速定量的シミュレーションによる, 分極剤分子間スピン相互作用が高磁場 DNP 核磁化増大に与える影響の評価
○深澤隼, 藤原敏道, 松木陽 (大阪大学蛋白質研究所)
- P87 深層学習を用いた ¹⁹F-NMR の化学シフト予測
○滝沢剛, 半沢宏之 (第一三共 RD ノバール株式会社 合成化学研究部)
- P88 **Y** 量子化学計算と機械学習を用いた化学シフト予測法の高度化
○伊藤研悟^{1,2}, 尾淵由佳², 近山英輔^{1,3}, 伊達康博^{1,2}, 菊地淳^{1,2,4} (¹理化学研究所 環境資源科学研究センター, ²横浜市立大学大学院 生命医科学研究科, ³新潟国際情報大学 情報システム学科, ⁴名古屋大学大学院 生命農学研究科)
- P89 統合ウェブツール InterSpin の開発に基づく混合物の高・低磁場 NMR スペクトル解析
○山田隼嗣^{1,2}, 伊藤研悟^{2,3}, 黒谷篤之², 山田豊², 近山英輔⁴, 菊地淳^{1,2,3} (¹名古屋大学大学院 生命農学研究科, ²理化学研究所 環境資源科学研究センター, ³横浜市立大学大学院 生命医科学研究科, ⁴新潟国際情報大学 情報文化学部)
- P90 **Y** 生体分子複雑系を対象とした機械学習によるデータ駆動モデリング
○伊達康博^{1,2}, 魏菲菲¹, 坂田研二¹, 菊地淳^{1,2,3} (¹国立研究開発法人理化学研究所 環境資源科学研究センター, ²横浜市立大学大学院 生命医科学研究科, ³名古屋大学大学院 生命農学研究科)
- P91 超偏極 Xe 生成用光ポンピングセル調整方法の研究
○服部峰之¹, 平賀隆¹, 柳町真也¹, 高見澤昭文¹, 池上健¹, 上原大², 鈴木孝昭² (¹産業技術総合研究所 計量標準総合センター, ²株式会社ミトリカ)
- P92 **Y** フラッシュランプを用いたコンパクト triplet-DNP 装置の開発
○高橋慶伍¹, 根来誠^{1,2}, 鷹峰洸太¹, 一条直規¹, 香川晃徳¹, 北川勝浩¹ (¹大阪大学大学院 基礎工学研究科, ²JST・さきがけ)
- P93 超音波モーターを用いた新たな MAT プロブの開発
○松永達弥¹, 竹腰清乃理², 神田岳文³, 矢野貴博³ (¹理化学研究所・ライフサイエンス基盤研究センター, ²京都大学大学院・理学研究科, ³岡山大学大学院・自然科学研究科)
- P94 **Y** オプトメカニクスを用いた NMR 信号の光変換実験の最適化
○富永雄介¹, 長坂健太郎², 宇佐見康二², 竹腰清乃理¹, 武田和行¹ (¹京都大学大学院 理学研究科, ²東京大学 先端科学技術研究センター)
- P95 TD-NMRによる冷凍野菜の障壁の評価
○原英之 (ブルカー・バイオスピン株式会社 アプリケーション部)
- P96 光検出磁気共鳴に基づく超解像イメージング技術
○寺田大紀¹, 外間進吾², 五十嵐龍治¹, 原田慶恵³, 白川昌宏¹ (¹京都大学大学院 工学研究科, ²中央研究院 原子分子科学研究所, ³大阪大学大学院 理学研究科)
- P97 The indirect detection of ¹⁰B (*I*=3) overtone NMR at very fast Magic Angle Spinning
○Nghia Tuan Duong¹, Ilya Kuprov², and Yusuke Nishiyama^{1,3} (¹RIKEN CLST-JEOL Collaboration center, RIKEN, ²Department of Chemistry, University of Southampton, United Kingdom, ³JEOL RESONANCE Inc.)